

**2001年9月7日**

9: 00 – 9: 40 成立大会（主持人：余振苏教授）

校领导讲话

现代物理中心领导讲话

中心主任讲话

9: 40 – 10: 00 休息

主持人：汤超博士

10: 00 – 10: 40 张春霆院士（天津大学）

**Gene-finding in prokaryotic genomes using the methodology of Z curves**

10: 40 – 11: 20 华泰立教授（美国加州大学圣地亚哥分校）

**Gene regulation from biophysical and evolutionary perspectives**

11: 20 – 12: 00 王志新院士（中科院生物物理所）

**酶反应动力学研究**

12: 00 – 13: 30 午餐

主持人：欧阳颀教授

13: 30 – 14: 00 陈润生研究员（中科院生物物理所）

**生物信息学发展趋势**

14: 00 – 14: 30 涂豫海博士（IBM）

## **Making Sense of Gene Expression Microarray Data: A Statistical Approach**

14: 30 – 15: 00 余振苏教授（北京大学）

**DNA 编码区及非编码区的复杂性分析**

15: 00 – 15: 30 钱敏平教授（北京大学）

**DNA 序列的比对和拼接**

15: 30 – 15: 50 休息

主持人：来鲁华教授

15: 50 – 16: 20 李弘谦教授（中央大学）

**Textual analysis of DNA sequences**

16: 20 – 16: 50 欧阳颀教授（北京大学）

**微观反应动力学**

16: 50 – 17: 20 王存新教授（北京工业大学）

**溶剂效应对蛋白质稳定性的影响**

17: 20 – 17: 50 潘宪明研究员（中科院生物物理所）

**线性回归方法预测蛋白质二级结构**

**2001年9月8日**

主持人：钱敏平教授

9: 00 – 9: 30 孙之荣教授（清华大学生物系）

**功能基因组系统学**

9: 30 – 10: 00 汤超博士（美国 NEC 研究所）

**Tree Search Algorithm for Protein Folding Problem**

10: 00 – 10: 30 汤雷翰教授（香港浸会大学物理系）

**Multicanonical Monte Carlo methods applied to protein folding**

10: 30 – 10: 50 休息

主持人：顾孝诚教授

10: 50 – 11: 20 郑伟谋研究员（中科院理论物理所）

**Reduction of amino acid alphabets by an entropic approach**

11: 20 – 11: 50 来鲁华教授（北京大学）

**功能蛋白质设计**

11: 50 Closing remarks（来鲁华教授）